

日 本 国 特 許 庁
JAPAN PATENT OFFICE

別紙添付の書類に記載されている事項は下記の出願書類に記載されて
いる事項と同一であることを証明する。

This is to certify that the annexed is a true copy of the following application as filed
with this Office.

出 願 年 月 日
Date of Application: 2 0 0 4 年 2 月 2 0 日

出 願 番 号
Application Number: 特 願 2 0 0 4 - 0 4 4 7 5 9

パリ条約による外国への出願
に用いる優先権の主張の基礎
となる出願の国コードと出願
番号
The country code and number
of your priority application,
to be used for filing abroad
under the Paris Convention, is

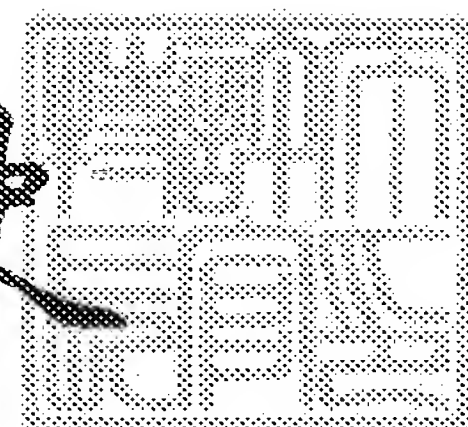
J P 2 0 0 4 - 0 4 4 7 5 9

願 人
Applicant(s): 独立行政法人科学技術振興機構
財団法人 東京都福祉保健財団

2 0 0 9 年 6 月 1 1 日

特許庁長官
Commissioner,
Japan Patent Office

鈴木 隆 史



出証番号 出証特 2 0 0 9 - 3 0 1 8 4 4 9

【書類名】 特許願
【整理番号】 TMI04002P
【あて先】 特許庁長官殿
【国際特許分類】 C12Q 1/00
【発明者】
【住所又は居所】 東京都板橋区栄町 3 5 番 2 号 財団法人東京都高齢者研究・福祉
振興財団 東京都老人総合研究所内
【氏名】 山川 直美
【特許出願人】
【識別番号】 503360115
【氏名又は名称】 独立行政法人科学技術振興機構
【特許出願人】
【識別番号】 594053121
【氏名又は名称】 財団法人東京都高齢者研究・福祉振興財団
【代理人】
【識別番号】 100090251
【弁理士】
【氏名又は名称】 森田 憲一
【手数料の表示】
【予納台帳番号】 017813
【納付金額】 21,000円
【提出物件の目録】
【物件名】 特許請求の範囲 1
【物件名】 明細書 1
【物件名】 図面 1
【物件名】 要約書 1

【書類名】特許請求の範囲

【請求項 1】

- (1) メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンが露出している DNA 断片混合物を調製する工程、
- (2) 前記工程で得られた DNA 断片混合物を、抗メチル化シトシン抗体又は抗シトシン抗体と接触させ、前記抗体と反応して免疫複合体を形成した DNA 断片群と、前記抗体と反応しなかった DNA 断片群とに分離する工程、
- (3) 前記抗体と反応して免疫複合体を形成した前記 DNA 断片群に含まれる DNA 断片の全部又は一部を同定する工程、及び
- (4) 前記工程で同定された DNA 断片とそれぞれハイブリダイズ可能な核酸を基板上に配置する工程
- を含むことを特徴とする、DNA アレイの製造方法。

【請求項 2】

DNA 断片混合物と抗体との接触を、抗原抗体反応における 1 価結合を解離させ、且つ 2 価結合を維持することのできる条件下において実施する、請求項 1 に記載の製造方法。

【請求項 3】

ゲノム DNA を、認識部位のメチル化の有無に関係なく切断可能であって、しかも、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンを含む突出末端を生じさせる制限酵素で消化することによって、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンが露出している DNA 断片混合物を調製する、請求項 1 又は 2 に記載の製造方法。

【請求項 4】

ゲノム DNA を断片化し、更に、その全長又は部分領域を一本鎖化することによって、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンが露出している一本鎖 DNA 断片又は部分一本鎖 DNA 断片の混合物を調製する、請求項 1 又は 2 に記載の製造方法。

【請求項 5】

DNA 断片混合物として、生体試料又はそれに由来する試料中の遊離 DNA 断片混合物を使用する、請求項 1 又は 2 に記載の製造方法。

【請求項 6】

請求項 1 ～ 5 のいずれか一項に記載の製造方法により得ることのできる、DNA アレイ。

【請求項 7】

- (1) メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンを含む突出末端を両端に有する DNA 断片であって、両方の突出末端にメチル化シトシンが存在する DNA 断片、
- (2) メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンを含む突出末端を両端に有する DNA 断片であって、一方の突出末端のみにメチル化シトシンが存在する DNA 断片、又は
- (3) メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンを含む突出末端を両端に有する DNA 断片であって、両方の突出末端のいずれにもメチル化シトシンが存在しない DNA 断片
- のいずれか 1 つの DNA 断片のみを含むことを特徴とする、DNA 断片群。

【請求項 8】

請求項 7 に記載の DNA 断片群に含まれる DNA 断片の全部又は一部とそれぞれハイブリダイズ可能な核酸が基板上に配置されていることを特徴とする、DNA アレイ。

【請求項 9】

- (1) 分析対象 DNA から、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンが露出している DNA 断片混合物を調製する工程、
- (2) 前記工程で得られた DNA 断片混合物を、抗メチル化シトシン抗体又は抗シトシン抗体と接触させ、前記抗体と反応して免疫複合体を形成した DNA 断片群と、前記抗体と反応しなかった DNA 断片群とに分離する工程、及び

(3) 前記抗体と反応して免疫複合体を形成した前記DNA断片群に含まれるDNA断片、あるいは、前記抗体と反応しなかったDNA断片群に含まれるDNA断片をDNAアレイで分析する工程を含むことを特徴とする、前記分析対象DNAのメチル化分析方法。

【請求項10】

突出末端を有する二本鎖DNA断片と、前記突出末端に含まれる塩基に対する抗体とを接触させることを特徴とする、前記DNA断片の精製方法。

【書類名】明細書

【発明の名称】DNAメチル化分析用DNAアレイ及びその製造方法並びにDNAメチル化分析方法

【技術分野】

【0001】

本発明は、DNAメチル化分析用DNAアレイ及びその製造方法並びにDNAメチル化分析方法に関する。また、本発明は、DNA断片の精製方法（取得方法）に関する。

【背景技術】

【0002】

生物が持つ遺伝情報は、DNAの中に集約されている。一般的にはこのDNAの塩基配列で全てが規定されるように理解されているがそれだけではなく、高等動物において、体内のゲノムDNAは老化する。実際にはDNA中のシトシン塩基のメチル化が老化と共に変化し、これが原因で起こる疾患が数多くある。

ゲノムDNAを卵の中に移植すると脱メチル化され、再び若返ることは、クローン動物の実験で立証されており、この場合、テロメア長も元に戻るということが、現在、マウスで立証されている。

体内のゲノムが老化すると、働くべき遺伝子が働かなかったり、働いてはいけない遺伝子が働いてしまったりする。多くの癌細胞では、遺伝子発現を制御するプロモーター領域のメチル化の亢進が起きており、これにより癌を抑制する遺伝子群は、その多くが不活性化されている。

【0003】

このように、DNA鎖のメチル化は、癌をはじめとする様々な疾患の重要な指標であり、また遺伝子発現の制御に関係することから、例えば、細胞の分化の程度を把握するための指標ともなり、これまでにその測定方法が様々な検討されている。

一方、例えば、医療の現場においてDNAメチル化を測定する場合には、迅速かつ正確に判定結果が得られることが求められている。しかしながら、このような観点からは従来の各方法は、必ずしも好ましい方法ではなかった。

【0004】

現在までに行われてきたDNAのメチル化分析法、特に5-メチルシトシンの分析法には、例えば、

(1) 試料DNAを酵素処理により単塩基にまで分解し、これをクロマトグラフィーやELISA法を応用して定量する方法、

(2) 試料DNA中のシトシン塩基を、亜硫酸水素イオン (bisulfite) などの薬剤処理によりウラシルに変化させ、メチル化DNAに特異的にハイブリダイズする、あるいはメチル化していないDNAに特異的にハイブリダイズするPCR用プライマーを用いて、PCR増幅産物の出現の有無により、プライマーがハイブリダイズする領域のメチル化を分析する方法、

(3) 前記(2)の方法と同様にして亜硫酸水素イオン処理したDNAを用いて、そのDNA配列を直接シーケンシングする方法、又は

(4) 亜硫酸水素イオン-PCR-SSCP (single strand conformational polymorphism) 法 (非特許文献1)

が知られている。

【0005】

しかし、これらの分析法のいずれも、特定のシトシンのメチル化、あるいは、特定領域に含まれる複数のシトシンのメチル化を分析することを目的としており、ゲノムDNAのメチル化の状態を網羅的に分析することはできなかった。

【0006】

これに対して、ゲノムDNA中のメチル化される可能性のある部位 [以下、メチレーションサイト (methylation site) と称する。なお、実際にメチル化されているメチレーションサイトは、メチル化部位 (methylated site) と称する] の網羅的な解析を可能とす

るDNAアレイ（例えば、DNAマイクロアレイ、DNAチップ、又はバイオチップ等の種々の別称があるが、本明細書ではこれらを総称してDNAアレイと称する）が、特許文献1に開示されている。

【0007】

この特許文献1には、同じ認識部位を切断するメチル化感受性制限酵素（例えば、Sma I）が存在するメチル化非感受性制限酵素（例えば、Xma I）でゲノムDNAを消化することにより得られる複数種類のDNA断片（あるいは、その塩基配列の一部を化学合成したオリゴヌクレオチドプローブ）を、それぞれ、基板上の異なる位置に固定したDNAアレイと、それを用いたメチル化部位のメチル化検出方法とが開示されている。なお、メチル化非感受性制限酵素とは、認識部位のメチル化の有無に関係なく、認識部位を切断可能な制限酵素であり、メチル化感受性制限酵素とは、認識部位のメチル化の有無により、切断活性が影響される制限酵素である。

【0008】

前記検出方法では、（1）分析対象であるゲノムDNAをメチル化感受性制限酵素（例えば、Sma I；平滑末端を生じさせる制限酵素であり、認識配列中にメチル化シトシンを含む場合、その配列を切断することができない）で消化した後、（2）更に、同じ認識部位を切断する（但し、消化により出現する切断末端が異なる）メチル化非感受性制限酵素（例えば、Xma I；5'突出末端を生じさせる制限酵素）で消化し、（3）続いて、両端が前記メチル化非感受性制限酵素による切断末端であるDNA断片のみを特異的に増幅した後、（4）増幅したDNA断片を、前記DNAアレイを用いて検出する。なお、前記工程（3）における特定DNA断片（すなわち、両端が前記メチル化非感受性制限酵素による切断末端であるDNA断片）のみを特異的に増幅する手段としては、Xma Iアダプターを連結させた後、前記アダプターの部分塩基配列を含むプライマーを用いるPCR法が開示されている。

【0009】

特許文献1に開示の前記検出方法では、メチル化感受性制限酵素（認識配列中にメチル化シトシンを含む場合、その配列を切断することができない）で消化した後、メチル化非感受性制限酵素で消化するため、前記メチル化非感受性制限酵素で切断される認識部位は、必ずメチル化シトシンを含む。従って、工程（3）で増幅されるDNA断片の両端は、いずれも、メチル化シトシンを含む認識部位、すなわち、メチル化されたメチレーションサイト（すなわち、メチル化部位）に由来しており、工程（4）において、メチル化部位に挟まれたDNA断片のみが検出される。

【0010】

このように、特許文献1に記載の検出方法では、両端のメチレーションサイトが両方ともメチル化されているDNA断片のみが検出可能であるが、片方のみがメチル化されているDNA断片を検出することはできないため、生体内で起き得る微妙なメチル化の変化を無視してしまう欠点がある。例えば、癌細胞では、通常はメチル化率が低いCpGアイランドが高度にメチル化されてしまうことが高頻度に観察されるが、このように通常メチル化されていないDNA断片の微妙なメチル化の増加、すなわち、DNA断片の片方のみがメチル化されるような場合の検出を行うことはできない。

【0011】

また、特許文献1に記載の検出方法では、2段階の制限酵素消化を実施するため、その消化処理に時間がかかる欠点がある。また、消化後のアダプター連結処理では、塩濃度が高いとライゲーション効率が低くなるため、消化後に脱塩濃縮処理を実施することが好ましいが、その操作も煩雑である。更に、DNA増幅に一般的に使用されるPCRでは、DNA断片のサイズが異なる場合、通常、短いサイズのDNA断片が優先的に増幅されてしまうため、同じ効率で増幅を行うことが難しいという欠点がある。

【0012】

更に、特許文献1に記載のDNAアレイは、メチル化非感受性制限酵素（例えば、Xma I）でゲノムDNAを消化することにより得られる複数種類のDNA断片又は化学合成

したオリゴヌクレオチドプローブを、それぞれ、基板上の異なる位置に固定しただけであり、各DNA断片又はオリゴヌクレオチドプローブには、特に特徴は見当たらない。

【0013】

【非特許文献1】エム・前川 (M. Maekawa) ら, 「バイオケミカル・アンド・バイオフィジカル・リサーチ・コミュニケーションズ (Biochemical and Biophysical Research Communications)」, (オランダ), 1999年, 262巻, p. 671-676

【特許文献1】特開2003-38183号公報

【発明の開示】

【発明が解決しようとする課題】

【0014】

従って、本発明の課題は、従来技術のこれらの欠点を解消し、DNA (例えば、ゲノムDNA) のメチレーションサイトの網羅的な解析を可能とするDNAメチル化分析用DNAアレイ及びその製造方法並びにDNAメチル化分析方法を提供することにある。

より具体的には、両端のメチレーションサイトが両方ともメチル化されているDNA断片だけでなく、片方のみがメチル化されているDNA断片、あるいは、両方ともメチル化されていないDNA断片を、複雑な操作を必要とすることなく、検出可能なDNAアレイ及びDNAメチル化分析方法を提供することにある。また、アレイ上に配置する各核酸を、両端のメチレーションサイトの状態に応じて適宜分類して配置可能な、DNAアレイ製造方法を提供することにある。

【課題を解決するための手段】

【0015】

前記課題は、本発明による、

(1) メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンが露出しているDNA断片混合物を調製する工程 (以下、調製工程と称する)、

(2) 前記工程で得られたDNA断片混合物を、抗メチル化シトシン抗体又は抗シトシン抗体と接触させ、前記抗体と反応して免疫複合体を形成したDNA断片群と、前記抗体と反応しなかったDNA断片群とに分離する工程 (以下、抗体接触工程と称する)、

(3) 前記抗体と反応して免疫複合体を形成した前記DNA断片群に含まれるDNA断片の全部又は一部を同定する工程 (以下、同定工程と称する)、及び

(4) 前記工程で同定されたDNA断片とそれぞれハイブリダイズ可能な核酸を基板上に配置する工程 (以下、配置工程と称する)

を含むことを特徴とする、DNAアレイの製造方法により解決することができる。

【0016】

本発明の製造方法の好ましい態様によれば、前記抗体接触工程におけるDNA断片混合物と抗体との接触を、抗原抗体反応における1価結合を解離させ、且つ2価結合を維持することのできる条件下において実施する。

【0017】

本発明の製造方法の好ましい態様によれば、前記調製工程において、ゲノムDNAを、「認識部位のメチル化の有無に関係なく切断可能であって、しかも、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンを含む突出末端を生じさせる制限酵素」で消化することによって、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンが露出しているDNA断片混合物を調製する。

本発明の製造方法の別の好ましい態様によれば、前記調製工程において、ゲノムDNAを断片化し、更に、その全長又は部分領域を一本鎖化することによって、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンが露出している一本鎖DNA断片又は部分一本鎖DNA断片の混合物を調製する。

本発明の製造方法の更に別の好ましい態様によれば、DNA断片混合物として、生体試料又はそれに由来する試料中の遊離DNA断片混合物を使用する。

【0018】

また、本発明は、前記製造方法により得ることのできる、DNAアレイに関する。

また、本発明は、

(1) メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンを含む突出末端を両端に有するDNA断片であって、両方の突出末端にメチル化シトシンが存在するDNA断片

(2) メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンを含む突出末端を両端に有するDNA断片であって、一方の突出末端のみにメチル化シトシンが存在するDNA断片、又は

(3) メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンを含む突出末端を両端に有するDNA断片であって、両方の突出末端のいずれにもメチル化シトシンが存在しないDNA断片

のいずれか1つのDNA断片のみを含むことを特徴とする、DNA断片群に関する。

また、本発明は、前記DNA断片群に含まれるDNA断片の全部又は一部とそれぞれハイブリダイズ可能な核酸が基板上に配置されていることを特徴とする、DNAアレイに関する。

【0019】

また、本発明は、

(1) 分析対象DNAから、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンが露出しているDNA断片混合物を調製する工程（以下、調製工程と称する）、

(2) 前記工程で得られたDNA断片混合物を、抗メチル化シトシン抗体又は抗シトシン抗体と接触させ、前記抗体と反応して免疫複合体を形成したDNA断片群と、前記抗体と反応しなかったDNA断片群とに分離する工程（以下、抗体接触工程と称する）、及び

(3) 前記抗体と反応して免疫複合体を形成した前記DNA断片群に含まれるDNA断片、あるいは、前記抗体と反応しなかったDNA断片群に含まれるDNA断片を、DNAアレイで分析する工程（以下、分析工程と称する）

を含むことを特徴とする、前記分析対象DNAのメチル化分析方法に関する。

【0020】

更に、本発明は、突出末端を有する二本鎖DNA断片と、前記突出末端に含まれる塩基に対する抗体とを接触させることを特徴とする、前記DNA断片の精製方法に関する。

【0021】

本明細書において、「シトシン」とは、メチル化されていないシトシン、すなわち、非メチル化シトシンを意味する。また、「メチル化されたシトシン」とは、5-メチルシトシンを意味する。

【0022】

本明細書において、「抗メチル化シトシン抗体」とは、特に断らない限り、メチル化シトシンと特異的に反応するが、シトシンとは特異的に反応しない抗体を意味する。また、「抗シトシン抗体」とは、特に断らない限り、シトシンと特異的に反応するが、メチル化シトシンとは特異的に反応しない抗体を意味する。

【0023】

本明細書における用語「抗体」は、モノクローナル抗体又はポリクローナル抗体のいずれであることもでき、前記「抗体」には、狭義の抗体（すなわち、免疫グロブリン分子それ自体）が含まれるだけでなく、抗体断片、例えば、Fab、Fab'、F(ab')₂、又はFvが含まれるものとする。

【発明の効果】

【0024】

本発明のメチル化分析方法によれば、各分析対象細胞におけるDNAアレイ上のポジティブスポット及び／又はネガティブスポットの傾向（すなわち、数の大小）から、前記細胞のゲノムDNAにおけるメチル化率を判定することができ、更には、ポジティブスポット及び／又はネガティブスポットのプロフィールから、その細胞の状態（例えば、癌細胞の悪性度、細胞の分化状態、疾病への罹患の有無）についても把握することができる。

【0025】

また、本発明の製造方法によれば、本発明のメチル化分析方法に用いることのできる、本発明のDNAアレイを製造することができる。本発明の製造方法によれば、分析対象細胞に由来するゲノムDNAを適当なメチル化非感受性制限酵素で消化して得られるDNA断片に関して、両端のメチレーションサイトが両方ともメチル化されているDNA断片、片方のみがメチル化されているDNA断片、及び／又は両方ともメチル化されていないDNA断片を区別して基板上に固定したDNAアレイを製造することができる。これらのDNAアレイを用いると、メチル化のわずかな変化、例えば、一方のメチレーションサイトのみがメチル化されるような変化も検出することができる。

【発明を実施するための最良の形態】

【0026】

[1] 本発明のDNAアレイ及びその製造方法

本発明のDNAアレイ製造方法は、調製工程、抗体接触工程、同定工程、及び配置工程を含む。

本発明のDNAアレイ製造方法には、抗体接触工程で用いる抗体の特異性の違いにより、少なくとも1つのメチル化シトシンが露出しているDNA断片を分析可能なDNAアレイ（以下、メチル化シトシン型アレイと称する）を得ることのできる製造方法（以下、メチル化シトシン型製造方法と称する）と、少なくとも1つのシトシンが露出しているDNA断片を分析可能なDNAアレイ（以下、シトシン型アレイと称する）を得ることのできる製造方法（以下、シトシン型製造方法と称する）とが含まれる。

【0027】

本発明の製造方法に含まれるメチル化シトシン型製造方法では、抗体接触工程で用いる抗体として、少なくとも抗メチル化シトシン抗体、すなわち、メチル化シトシンと特異的に反応するが、シトシンとは特異的に反応しない抗体を使用する。

一方、本発明の製造方法に含まれるシトシン型製造方法では、抗体接触工程で用いる抗体として、少なくとも抗シトシン抗体、すなわち、シトシンと特異的に反応するが、メチル化シトシンとは特異的に反応しない抗体を使用する。

なお、前記メチル化シトシン型製造方法又はシトシン型製造方法において、抗メチル化シトシン抗体及び抗シトシン抗体を組み合わせ使用することもできる。

以下、メチル化シトシン型製造方法及びメチル化シトシン型DNAアレイについて説明し、続いて、シトシン型製造方法及びシトシン型DNAアレイについて説明する。

【0028】

(1) メチル化シトシン型製造方法及びDNAアレイ

本発明のメチル化シトシン型製造方法における調製工程では、適当なDNA材料から、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンが露出しているDNA断片混合物を調製する。

前記調製工程で用いるDNA材料としては、本発明のメチル化分析方法において分析対象とすることのできるDNA、すなわち、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンを含む可能性のあるDNAである限り、特に限定されるものではなく、例えば、細胞（例えば、動物細胞又は植物細胞）のゲノムDNA、あるいは、生体試料又はそれに由来する試料（例えば、血液、血漿、血清、尿、リンパ液、髄液、唾液、腹水、羊水、粘液、乳汁、胆汁、胃液、又は透析実施後の人工透析液など）に存在する遊離DNA断片混合物を挙げることができる。

【0029】

細胞のゲノムDNAを使用する場合には、前記細胞として、メチル化率の高い細胞を用いることが好ましい。メチル化シトシン型製造方法では、メチル化シトシンの有無に基づいて、DNAアレイに配置するDNA断片を選択するからである。メチル化率の高い細胞を用いることにより、調製工程で得られるDNA断片混合物中に含まれる、少なくとも1つのメチル化シトシンが露出しているDNA断片の比率を高めることができる。

メチル化率の高い細胞としては、正常細胞と比較してメチル化率が高い細胞、例えば、

癌細胞、精子、又は植物の種子を挙げることができる。また、1種類の細胞のみを用いることもできるし、複数種類の細胞の混合物として使用することもできる。なお、正常細胞のメチル化率は、例えば、組織若しくは器官の種類、加齢、外部要因、個体発生段階、分化、又は脱分化などの条件に応じて変動があるため、DNAアレイの使用目的（特に分析対象細胞の種類）に応じて、調製工程で用いる細胞を適宜選択することが好ましい。

【0030】

メチル化シトシン型製造方法における調製工程において、DNA材料として細胞のゲノムDNAを使用する場合、そのゲノムDNAから、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンが露出しているDNA断片混合物を調製する手段としては、例えば、

(a) 認識部位のメチル化の有無に関係なく切断可能（すなわち、メチル化非感受性）であって、しかも、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンを含む突出末端（以下、C含有突出末端と称する）を生じさせる制限酵素を用いて、ゲノムDNAを消化する方法、又は

(b) ゲノムDNAを断片化し、更に、その全長又は部分領域を一本鎖化して、一本鎖DNA断片又は部分一本鎖DNA断片の混合物を調製する方法など挙げることができる。

【0031】

調製工程において、C含有突出末端を生じさせるメチル化非感受性制限酵素を使用すると、ゲノムDNAの断片化と同時に、制限酵素により生じる突出末端に、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンを露出させることができる。

高等動物では、5'-CG-3'配列におけるC（シトシン）がメチル化されるため、前記CG配列を含む突出末端（以下、CG含有突出末端と称する）を生じさせるメチル化非感受性制限酵素を用いることが好ましい。このような制限酵素としては、例えば、表1に示す制限酵素を挙げることができる。なお、表1において、下線で示すCは、メチル化される可能性のあるシトシンを意味し、記号「 \vdots 」は切断箇所を示す。例えば、制限酵素BsaWIでは、認識配列WCCGGWのWとCとの間を切断し、5'-CCGG-3'配列からなる5'突出末端を生じさせる。また、制限酵素MspIでは、認識配列CCGGのCとCとの間を切断し、5'-CG-3'配列からなる5'突出末端を生じさせる。

【0032】

《表1》

制限酵素	認識配列及び切断部位	記号の説明
BsaWI	W \vdots C <u>C</u> GGW	W=A又はT
BsoBI	C \vdots Y <u>C</u> GRG	Y=C又はT, R=A又はG
BssSI	C \vdots T <u>C</u> GTG	
MspI	C \vdots <u>C</u> GG	
TaqI	T \vdots <u>C</u> GA	
XmaI	C \vdots C <u>C</u> GGG	

【0033】

また、植物では、5'-CNG-3'配列におけるC（シトシン）がメチル化されるため、前記CNG配列を含む突出末端（以下、CNG含有突出末端と称する）を生じさせるメチル化非感受性制限酵素を用いることが好ましい。このような制限酵素としては、例えば、表2に示す制限酵素を挙げることができる。なお、表2において、下線で示すCは、メチル化される可能性のあるシトシンを意味し、記号「 \vdots 」は切断箇所を示す。

【0034】

《表2》

制限酵素	認識配列及び切断部位	記号の説明
BsaWI	W \vdots <u>C</u> CGGW	W=A又はT
MspI	C \vdots <u>C</u> GG	

X m a I C : C C G G G

【 0 0 3 5 】

調製工程において、ゲノム DNA から一本鎖 DNA 断片又は部分一本鎖 DNA 断片の混合物を調製する場合には、ゲノム DNA の断片化の工程と一本鎖化の工程の順序は、特に限定されるものではなく、いずれを先に実施することもできるし、あるいは、同時に実施することもできる。

【 0 0 3 6 】

ゲノム DNA を断片化する方法としては、例えば、制限酵素を使用する方法、物理的に切断する方法（例えば、超音波処理、紫外線照射、放射線照射、又は電子線照射）、又は化学的に切断する方法などを挙げることができる。

【 0 0 3 7 】

DNA（ゲノム DNA である場合と断片化 DNA である場合とを含む）を一本鎖化する場合には、その全長にわたって一本鎖化することもできるし、その部分領域のみを一本鎖化することもできる。

【 0 0 3 8 】

全長にわたって一本化する場合には、例えば、熱変性処理又は変性剤処理などを挙げることができる。

【 0 0 3 9 】

部分領域を一本鎖化する場合には、例えば、一本鎖化の対象 DNA における一方の鎖にハイブリダイズ可能な核酸（例えば、オリゴヌクレオチド又はポリヌクレオチド。以下、一本鎖化用核酸と称する）を共存させる方法などを挙げることができる。

前記一本鎖化用核酸は、一本鎖化の対象 DNA においてメチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンを含む領域を標的として、適宜設計することができ、1 種類だけを単独で、あるいは、複数種類を同時に使用することができる。一本鎖化用核酸を用いると、特定領域のメチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンを選択的に露出させることができるため、好ましい。

【 0 0 4 0 】

なお、DNA 断片によっては、部分的にステム・ループ構造をとることにより、特別な処理（例えば、一本鎖化用核酸の添加）を施すことなく、部分的に一本鎖化されている場合がある。このような DNA 断片を DNA 材料として使用する場合には、特別な処理を施すことなく、そのまま、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンが露出している DNA 断片混合物として、次の抗体接触工程に用いることができる。

【 0 0 4 1 】

メチル化シトシン型製造方法における調製工程において、DNA 材料として生体試料又はそれに由来する試料中の遊離 DNA 断片混合物を使用する場合、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンが露出している DNA 断片混合物を調製する手段としては、例えば、C 含有突出末端（好ましくは、CG 含有突出末端又は CNG 含有突出末端）を生じさせるメチル化非感受性制限酵素を用いる方法、あるいは、一本鎖化用核酸を用いる方法を挙げることができる。また、遊離 DNA 断片が全体的又は部分的に一本鎖化されている場合には、特別な処理を施すことなく、そのまま、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンが露出している DNA 断片混合物として、次の抗体接触工程に用いることができる。

【 0 0 4 2 】

DNA 材料として生体試料又はそれに由来する試料中の遊離 DNA 断片混合物を使用する場合、前記試料中に含まれる遊離 DNA 断片の量が、以下の各工程を実施するには不十分であることがある。遊離 DNA 断片量が不十分である場合には、DNA 増幅（例えば、PCR）を行うことにより十分な量の DNA 断片を確保することができる。例えば、前記試料中から精製した遊離 DNA 断片混合物に適当なアダプターを連結させた後、前記アダプターに対するプライマーを使用して DNA 増幅を実施することができる。

【0043】

メチル化シトシン型製造方法における抗体接触工程では、前記調製工程で得られたDNA断片混合物と、抗メチル化シトシン抗体とを接触させ、前記抗体と反応して免疫複合体を形成したDNA断片群（複合体形成DNA断片群）と、前記抗体と反応しなかったDNA断片群（未反応DNA断片群）とに分離する。

【0044】

前記の接触は、複合体形成DNA断片群と未反応DNA断片群とを分離することが可能な接触方法である限り、特に限定されるものではないが、例えば、抗メチル化シトシン抗体を適当な担体に担持させた状態で、DNA断片混合物と接触させることにより、あるいは、抗メチル化シトシン抗体とDNA断片混合物とを接触させた後、複合体形成DNA断片群を常法により精製することにより、これらを分離することができる。前者の具体的手法としては、例えば、抗メチル化シトシン抗体を用いたアフィニティークロマトグラフィーにより、あるいは、遠心により分離可能な粒子又は磁性粒子上に担持させた抗メチル化シトシン抗体を用いた抗原抗体反応により、複合体形成DNA断片群と未反応DNA断片群とを分離することができる。後者の具体的手法としては、例えば、プロテインA又はプロテインGを担持させたカラム又は粒子（例えば、磁性粒子）を用いることにより、複合体形成DNA断片群を精製することができる。

【0045】

調製工程で得られたメチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンが露出しているDNA断片混合物の内、メチル化シトシンが露出しているDNA断片は、抗メチル化シトシン抗体と免疫複合体を形成するため、複合体形成DNA断片群として分離される。一方、メチル化シトシンが露出していないDNA断片は、抗メチル化シトシン抗体と反応しないため、未反応DNA断片群として分離される。

【0046】

調製工程において、C含有突出末端を生じさせるメチル化非感受性制限酵素を用いてDNA断片混合物を調製した場合には、前記DNA断片の両端はいずれもC含有突出末端である。抗メチル化シトシン抗体と接触させることにより分離した複合体形成DNA断片群に含まれるDNA断片は、両端のメチレーションサイトが両方ともメチル化されている（すなわち、2つのC含有突出末端の両方にメチル化シトシンが存在する）DNA断片である場合と、片方のみがメチル化されている（すなわち、2つのC含有突出末端の一方のみにメチル化シトシンが存在する）DNA断片である場合とがある。

【0047】

この場合（すなわち、C含有突出末端を生じさせるメチル化非感受性制限酵素を用いてDNA断片混合物を調製した場合）、抗体接触工程におけるDNA断片混合物と抗メチル化シトシン抗体との接触を、以下に示す特定の条件下で実施することにより、両端のメチレーションサイトが両方ともメチル化されている（すなわち、2つのC含有突出末端の両方にメチル化シトシンが存在する）DNA断片のみを含む複合体形成DNA断片群と、未反応DNA断片群とに分離することができる。

【0048】

抗原抗体反応においては、抗体の2価結合は、1価結合に比べて約 10^3 (M^{-1}) 倍も強い親和性を示すことが公知である〔例えば、Ivan Roitt, Jonathan Brostoff, and David Male著、多田富雄監訳、免疫学イラストレイテッド（原書第5版）、2000年2月10日発行、南江堂、第110頁（原著名：IMMUNOLOGY, FIFTH EDITION）〕。ここで、2価結合とは、一分子の抗体、あるいは、1つの担体に固定されている二分子の抗体が、2箇所の抗原結合部位で抗原に結合することを意味し、1価結合とは、一分子の抗体が1箇所の抗原結合部位で抗原に結合することを意味する。

【0049】

この点について、図1～図4に沿って更に説明する。図1～図4は、両端に突出末端を有する一分子の二本鎖DNA（1）と、一分子又は二分子の抗メチル化シトシン抗体（2）との結合の状態を示す模式図である。二本鎖DNA（1）の突出末端に記載の黒丸（図

1～図4)はメチル化シトシンを意味し、白丸(図1)はシトシンを意味する。

図1～図4に示すように、一分子の抗体(2)には2箇所の抗原結合部位が存在している。1価結合では、その内の一方の抗原結合部位で、抗原である二本鎖DNA(1)と結合する(図1)。それに対して、2価結合では、一分子の抗体(2)がその2箇所の抗原結合部位を利用して一分子の抗原(1)に結合する(図2)か、あるいは、担体(3)に固定されている2分子の抗体(2)がそれぞれ1箇所の抗原結合部位を利用して一分子の抗原(1)に結合する(図3)。なお、図4では、二分子の抗体(2)がそれぞれの抗原結合部位1箇所を利用して一分子の抗原(1)に結合しているが、この場合の親和性は1価結合と同じであることが公知である。

【0050】

前述のように、2価結合と1価結合とでは親和性に差があるため、抗原抗体反応系における種々の条件を変化させることにより、1価結合を解離させると共に、2価結合を維持させることが可能である。抗原抗体間の結合は、例えば、静電気力による結合、水素結合、又は疎水結合などに基づくものであり、静電気力による結合は、例えば、塩濃度又はpHにより、水素結合は、例えば、尿素又はグアニジン塩酸濃度により、疎水結合は、例えば、ポリエチレングリコール濃度により、影響を受けることが知られている。

【0051】

例えば、抗原抗体反応系における塩(例えば、NaCl)濃度に関して、2価結合は維持されるが、1価結合は排除される(なお、2価結合及び1価結合が混在し、その割合において1価結合よりも2価結合の方が優位である場合も含む)条件は、用いる抗体又は塩の種類により変化することがあるが、例えば、後述の実施例に示す実験系を用いることにより、使用抗体毎に塩濃度範囲を容易に決定することができる。

また、塩濃度以外にも親和性に影響を与えることのできる条件、例えば、尿素、グアニジン塩酸、若しくはポリエチレングリコール濃度、又はpHについても、同様にして、2価結合は維持されるが、1価結合は排除される条件を、使用抗体毎に容易に決定することができる。

【0052】

また、抗体接触工程において、抗メチル化シトシン抗体と抗シトシン抗体とを組み合わせることで用いることにより、一方の末端におけるメチレーションサイト(シトシン)のみがメチル化されている(すなわち、2つのC含有突出末端の一方のみにメチル化シトシンが存在する)DNA断片群を、複合体形成DNA断片群として取得することができる。

すなわち、調製工程で得られたDNA断片混合物と、抗メチル化シトシン抗体とを接触させ、前記抗メチル化シトシン抗体と反応して免疫複合体を形成したDNA断片群(複合体形成DNA断片群)と、前記抗メチル化シトシン抗体と反応しなかったDNA断片群(未反応DNA断片群)とに分離し、続いて、得られた複合体形成DNA断片群と抗シトシン抗体とを接触させ、前記抗シトシン抗体と反応して免疫複合体を形成したDNA断片群(複合体形成DNA断片群)と、前記抗シトシン抗体と反応しなかったDNA断片群(未反応DNA断片群)とに分離することにより、目的のDNA断片群を複合体形成DNA断片群として取得することができる。なお、抗メチル化シトシン抗体と抗シトシン抗体の接触順序は、逆であっても構わない。

あるいは、抗メチル化シトシン抗体を用いて、通常条件下で抗体接触工程を実施した後、抗原抗体反応における1価結合を解離させ、且つ2価結合を維持することのできる条件下で溶出することにより、一方の末端におけるメチレーションサイト(シトシン)のみがメチル化されているDNA断片群を取得することもできる。

【0053】

これまで述べたように、抗体接触工程では、抗原抗体反応の実施条件を適宜選択することにより、あるいは、使用する抗体を適宜選択又は組み合わせることにより、DNA断片における両端のC含有突出末端におけるシトシンのメチル化状態の異なるDNA断片群を取得することができる。

例えば、抗メチル化シトシン抗体を使用し、通常条件下で抗原抗体反応を実施すること

により、少なくとも一方の末端におけるメチレーションサイト（シトシン）がメチル化されている（すなわち、2つのC含有突出末端の少なくとも一方にメチル化シトシンが存在する）DNA断片群を、複合体形成DNA断片群として取得することができる。

また、抗メチル化シトシン抗体を使用し、1価結合を解離させ、且つ2価結合を維持することのできる条件下で抗原抗体反応を実施することにより、両端のメチレーションサイト（シトシン）が両方ともメチル化されている（すなわち、2つのC含有突出末端の両方にメチル化シトシンが存在する）DNA断片群を、複合体形成DNA断片群として取得することができる。

更には、抗メチル化シトシン抗体及び抗シトシン抗体を組み合わせて使用し、1価結合を解離させ、且つ2価結合を維持することのできる条件下で抗原抗体反応を実施することにより、一方の末端におけるメチレーションサイト（シトシン）のみがメチル化されている（すなわち、2つのC含有突出末端の一方のみにメチル化シトシンが存在する）DNA断片群を、複合体形成DNA断片群として取得することができる。

【0054】

メチル化シトシン型製造方法における同定工程では、前記抗体接触工程で得られた複合体形成DNA断片群に含まれるDNA断片を同定する。前記同定工程では、少なくとも、続いて実施する配置工程で使用する核酸を調製することができる程度まで、各DNA断片の情報を取得する。一般的には、前記核酸を設計可能な程度まで、各DNA断片の塩基配列を決定することが好ましく、常法に従って、各DNA断片をクローニングした後、あるいは、DNA断片群のまま直接、塩基配列を決定することができる。

【0055】

前記抗体接触工程を、抗原抗体反応における1価結合を解離させ、且つ2価結合を維持することのできる条件下で実施した場合、抗体接触工程で得られた複合体形成DNA断片群には、両端のメチレーションサイトが両方ともメチル化されている（すなわち、2つのC含有突出末端の両方にメチル化シトシンが存在する）DNA断片のみが含まれる（図2又は図3）。この場合、同定工程では、両端のメチレーションサイトが両方ともメチル化されているDNA断片の情報を取得することができる。

なお、前記特定条件における抗原抗体反応を、抗体を担体に固定せずに実施した場合には、2価結合を維持することができるのは図2に示す場合だけであるので、両端のメチレーションサイトが両方ともメチル化されており、しかも、塩基長が約40bp（一分子の免疫グロブリンにおける2箇所の抗原結合部位間の距離に相当）であるDNA断片の情報のみを取得することができる。

【0056】

一方、通常の条件下で抗体接触工程を実施した場合、抗体接触工程で得られた複合体形成DNA断片群には、両端のメチレーションサイトが両方ともメチル化されている（すなわち、2つのC含有突出末端の両方にメチル化シトシンが存在する）DNA断片と、片方のみがメチル化されている（すなわち、2つのC含有突出末端の一方のみにメチル化シトシンが存在する）DNA断片とが混在している。この状態のままで同定工程を実施した場合、各DNA断片の情報を取得することができるが、各DNA断片が、両端のメチレーションサイトが両方ともメチル化されているDNA断片であるか、あるいは、片方のみがメチル化されているDNA断片であるかは区別することができない。

【0057】

同定工程においても、2価結合と1価結合における親和性の差を利用すると、両端のメチレーションサイトが両方ともメチル化されているDNA断片と、片方のみがメチル化されているDNA断片とを分離し、片方のみがメチル化されているDNA断片の情報を取得することができる。例えば、通常の条件下で抗体接触工程を実施した後、抗原抗体反応における1価結合を解離させ、且つ2価結合を維持することのできる条件下で溶出するDNA断片を同定することにより、片方のみがメチル化されているDNA断片の情報を取得することができる。

【0058】

メチル化シトシン型製造方法における配置工程では、前記同定工程で同定されたDNA断片とそれぞれハイブリダイズ可能な核酸（例えば、オリゴヌクレオチド又はポリヌクレオチド）を基板上に配置する。

前記核酸は、同定工程で同定された各DNA断片の情報に基づいて設計すること以外は、DNAアレイの製造に関する常法に従って、設計及び調製することができる。

例えば、基板上に配置する全ての核酸に関して T_m を揃えることができる点で、各DNA断片の塩基配列に基づいて化学合成したオリゴヌクレオチドを用いることが好ましい。あるいは、前記同定工程でクローニングした各DNA断片又はその部分断片を、そのまま、基板上に配置することもできる。更には、前記抗体接触工程で得られた複合体形成DNA群に含まれるDNA断片をそのまま、あるいは、その増幅物を基板上に配置することもできる。

【0059】

また、前記核酸は、DNAアレイの製造に関する常法に従って、基板上に配置することができる。基板上に核酸を配置する方法としては、例えば、基板上で直接オリゴヌクレオチドを合成する方法、あるいは、予め調製した核酸を基板上にスポットし、共有結合又はイオン結合等により基板上に固定する方法などを挙げることができる。

【0060】

本発明のメチル化シトシン型製造方法により製造したDNAアレイ、すなわち、本発明のメチル化シトシン型DNAアレイにおいては、調製工程で調製したDNA断片の内、特定領域にメチル化シトシンを含むDNA断片（すなわち、特定領域の少なくとも1つのシトシンがメチル化されているDNA断片）とハイブリダイズ可能な核酸が基板上に配置されている。なお、前記特定領域とは、例えば、C含有突出末端を生じさせるメチル化非感受性制限酵素を用いた場合には、両端のC含有突出末端であり、一本鎖化用核酸を用いた場合には、一本鎖化用核酸の標的領域であり、ステム・ループ構造を含むDNA断片である場合には、ループ領域である。

【0061】

より具体的には、C含有突出末端を生じさせるメチル化非感受性制限酵素を用いてDNA断片混合物を調製するメチル化シトシン型製造方法により製造したDNAアレイでは、両端に位置するC含有突出末端の少なくとも一方にメチル化シトシンを含むDNA断片（すなわち、C含有突出末端の少なくとも一方において、少なくとも1つのシトシンがメチル化されているDNA断片）とハイブリダイズ可能な核酸が基板上に配置されている。特に、抗体接触工程におけるDNA断片混合物と抗メチル化シトシン抗体との接触を、抗原抗体反応における1価結合を解離させ、且つ2価結合を維持することのできる条件下で実施した場合には、両端に位置するC含有突出末端の両方にメチル化シトシンを含むDNA断片とハイブリダイズ可能な核酸が基板上に配置されている。また、抗メチル化シトシン抗体と抗シトシン抗体とを組み合わせ使用した場合、あるいは、通常条件下で抗体接触工程を実施した後、抗原抗体反応における1価結合を解離させ、且つ2価結合を維持することのできる条件下で溶出するDNA断片を同定した場合には、両端のC含有突出末端の一方のみにメチル化シトシンを含むDNA断片とハイブリダイズ可能な核酸が基板上に配置されている。

【0062】

また、一本鎖化用核酸を用いてDNA断片混合物を調製するメチル化シトシン型製造方法により製造したDNAアレイでは、一本鎖化した領域にメチル化シトシンを含むDNA断片（すなわち、一本鎖化した領域の少なくとも1つのシトシンがメチル化されているDNA断片）とハイブリダイズ可能な核酸が基板上に配置されている。特に、抗体接触工程におけるDNA断片混合物と抗メチル化シトシン抗体との接触を、抗原抗体反応における1価結合を解離させ、且つ2価結合を維持することのできる条件下で実施した場合には、一本鎖化した領域に2つ以上のメチル化シトシンを含むDNA断片とハイブリダイズ可能な核酸が基板上に配置されている。なお、一本鎖化用核酸を用いてDNA断片混合物を調製する場合には、両端に露出するメチル化シトシン又はシトシンの影響を受けないように

、両端を平滑末端にする処理を実施することが好ましい。

【0063】

更に、本発明のメチル化シトシン型DNAアレイにおいては、後述のシトシン型DNAアレイで用いることのできる、特定領域にシトシンを含むDNA断片（すなわち、特定領域の少なくとも1つのシトシンがメチル化されていないDNA断片）とハイブリダイズ可能な核酸を基板上に配置することができる。本発明のDNAアレイにおいて、特定領域にメチル化シトシンを含むDNA断片とハイブリダイズ可能な核酸と、特定領域にシトシンを含むDNA断片とハイブリダイズ可能な核酸とを、適宜分類して同時に基板上に配置すると、メチル化の程度が異なる複数のメチレーションサイトのメチル化について、一度に包括的に分析することができる。

【0064】

(2) シトシン型製造方法及びDNAアレイ

本発明のシトシン型製造方法における調製工程では、適当なDNA材料から、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンが露出しているDNA断片混合物を調製する。

前記調製工程で用いるDNA材料としては、メチル化シトシン型製造方法における調製工程で先述したDNA材料を用いることができる。

【0065】

但し、細胞のゲノムDNAを使用する場合には、前記細胞として、メチル化率の低い細胞を用いることが好ましい。シトシン型製造方法では、シトシンの有無に基づいて、DNAアレイに配置するDNA断片を選択するからである。メチル化率の低い細胞を用いることにより、調製工程で得られるDNA断片混合物中に含まれる、少なくとも1つのシトシンが露出しているDNA断片の比率を高めることができる。

メチル化率の低い細胞としては、例えば、正常細胞、ES細胞、又は組織幹細胞などを挙げることができる。また、1種類の細胞のみを用いることもできるし、複数種類の細胞の混合物として使用することもできる。

【0066】

シトシン型製造方法における調製工程において、DNA材料から、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンが露出しているDNA断片混合物を調製する手段としては、メチル化シトシン型製造方法における調製工程で先述したDNA断片混合物の調製手段を用いることができ、メチル化シトシン型製造方法の調製工程における前記調製手段に関する説明（但し、C含有突出末端を生じさせるメチル化非感受性制限酵素に関する説明を除く）が、そのまま、シトシン型製造方法における調製工程にも当てはまる。

【0067】

シトシン型製造方法における調製工程において、C含有突出末端を生じさせるメチル化非感受性制限酵素を使用すると、ゲノムDNAの断片化と同時に、制限酵素により生じる突出末端に、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンを露出させることができる。

【0068】

高等動物では、5'-CG-3'配列におけるC（シトシン）がメチル化されるため、CG含有突出末端を生じさせるメチル化非感受性制限酵素を用いることが好ましい。なお、シトシン型製造方法では、シトシンの有無に基づいて、DNAアレイに配置するDNA断片を選択するため、C含有突出末端にメチル化されないシトシンが含まれると、全てのDNA断片にシトシンが存在するため、DNA断片の選択ができない。このような制限酵素としては、表1に示すBsaWI、BsoBI、又はXmaIを挙げることができ、好ましくない。高等動物で用いることのできる酵素としては、例えば、表1に示すBssSI、MspI、又はTaqIを挙げることができる。

【0069】

また、植物では、5'-CNG-3'配列におけるC（シトシン）がメチル化されるため、CNG含有突出末端を生じさせるメチル化非感受性制限酵素を用いることが好ましい。

。このような制限酵素としては、例えば、表2に示す制限酵素を挙げることができる。なお、表2に示すBsaWI又はXmaIでは、表2に示すように、下線で示すメチル化される可能性のあるCがそれぞれ2箇所存在する。これらの酵素を用いた場合、2箇所のCが同時にメチル化されている場合に、抗シトシン抗体と反応することができなくなる。

【0070】

シトシン型製造方法における抗体接触工程では、前記調製工程で得られたDNA断片混合物と、抗シトシン抗体とを接触させ、前記抗体と反応して免疫複合体を形成したDNA断片群（複合体形成DNA断片群）と、前記抗体と反応しなかったDNA断片群（未反応DNA断片群）とに分離する。

【0071】

前記の接触は、複合体形成DNA断片群と未反応DNA断片群とを分離することが可能な接触方法である限り、特に限定されるものではないが、例えば、抗シトシン抗体を適当な担体に担持させた状態で、DNA断片混合物と接触させることにより、あるいは、抗シトシン抗体とDNA断片混合物とを接触させた後、複合体形成DNA断片群をプロテインAカラムで精製することにより、これらを分離することができる。前者の具体的手法としては、例えば、抗シトシン抗体を用いたアフィニティークロマトグラフィーにより、あるいは、遠心により分離可能な粒子又は磁性粒子上に担持させた抗シトシン抗体を用いた抗原抗体反応により、複合体形成DNA断片群と未反応DNA断片群とを分離することができる。

【0072】

調製工程で得られたメチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンが露出しているDNA断片混合物の内、シトシンが露出しているDNA断片は、抗シトシン抗体と免疫複合体を形成するため、複合体形成DNA断片群として分離される。一方、シトシンが露出していないDNA断片は、抗シトシン抗体と反応しないため、未反応DNA断片群として分離される。

【0073】

調製工程において、C含有突出末端を生じさせるメチル化非感受性制限酵素を用いてDNA断片混合物を調製した場合には、前記DNA断片の両端はいずれもC含有突出末端である。抗シトシン抗体と接触させることにより分離した複合体形成DNA断片群に含まれるDNA断片は、両端のメチレーションサイトが両方ともメチル化されていない（すなわち、2つのC含有突出末端の両方にシトシンが存在する）DNA断片である場合と、片方のみがメチル化されていない（すなわち、2つのC含有突出末端の一方のみにシトシンが存在する）DNA断片である場合とがある。

【0074】

この場合（すなわち、C含有突出末端を生じさせるメチル化非感受性制限酵素を用いてDNA断片混合物を調製した場合）、抗体接触工程におけるDNA断片混合物と抗シトシン抗体との接触を、所定の条件下で実施することにより、両端のメチレーションサイトが両方ともメチル化されていない（すなわち、2つのC含有突出末端の両方にシトシンが存在する）DNA断片のみを含む複合体形成DNA断片群と、未反応DNA断片群とに分離することができる。

前記条件については、メチル化シトシン型製造方法の抗体接触工程で先述した、抗原抗体反応系において1価結合を解離させると共に、2価結合を維持させることが可能な条件に関する説明が、そのまま、シトシン型製造方法における前記条件に当てはまる。

【0075】

抗体接触工程では、抗原抗体反応の実施条件を適宜選択することにより、あるいは、使用する抗体を適宜選択又は組み合わせることにより、DNA断片における両端のC含有突出末端におけるシトシンのメチル化状態の異なるDNA断片群を取得することができる。

例えば、抗シトシン抗体を使用し、通常条件下で抗原抗体反応を実施することにより、少なくとも一方の末端におけるメチレーションサイト（シトシン）がメチル化されていない（すなわち、2つのC含有突出末端の少なくとも一方にシトシンが存在する）DNA断

片群を、複合体形成DNA断片群として取得することができる。

また、抗シトシン抗体を使用し、1価結合を解離させ、且つ2価結合を維持することのできる条件下で抗原抗体反応を実施することにより、両端のメチレーションサイト（シトシン）が両方ともメチル化されていない（すなわち、2つのC含有突出末端の両方にシトシンが存在する）DNA断片群を、複合体形成DNA断片群として取得することができる。

更には、抗シトシン抗体及び抗メチル化シトシン抗体を組み合わせて使用し、1価結合を解離させ、且つ2価結合を維持することのできる条件下で抗原抗体反応を実施することにより、一方の末端におけるメチレーションサイト（シトシン）のみがメチル化されていない（すなわち、2つのC含有突出末端の一方のみにシトシンが存在する）DNA断片群を、複合体形成DNA断片群として取得することができる。

【0076】

シトシン型製造方法における同定工程及び配置工程は、メチル化シトシン型製造方法における同定工程及び配置工程と同様にして実施することができる。すなわち、メチル化シトシン型製造方法における同定工程及び配置工程に関する説明が、そのまま、シトシン型製造方法における同定工程及び配置工程にも当てはまる。

【0077】

本発明のシトシン型製造方法により製造したDNAアレイ、すなわち、本発明のシトシン型DNAアレイにおいては、調製工程で調製したDNA断片の内、特定領域にシトシンを含むDNA断片（すなわち、特定領域の少なくとも1つのシトシンがメチル化されていないDNA断片）とハイブリダイズ可能な核酸が基板上に配置されている。なお、前記特定領域とは、例えば、C含有突出末端を生じさせるメチル化非感受性制限酵素を用いた場合には、両端のC含有突出末端であり、一本鎖化用核酸を用いた場合には、一本鎖化用核酸の標的領域であり、ステム・ループ構造を含むDNA断片である場合には、ループ領域である。

【0078】

より具体的には、C含有突出末端を生じさせるメチル化非感受性制限酵素を用いてDNA断片混合物を調製するシトシン型製造方法により製造したDNAアレイでは、両端に位置するC含有突出末端の少なくとも一方にシトシンを含むDNA断片（すなわち、C含有突出末端の少なくとも一方において、少なくとも1つのシトシンがメチル化されていないDNA断片）とハイブリダイズ可能な核酸が基板上に配置されている。特に、抗体接触工程におけるDNA断片混合物と抗シトシン抗体との接触を、抗原抗体反応における1価結合を解離させ、且つ2価結合を維持することのできる条件下で実施した場合には、両端に位置するC含有突出末端の両方にシトシンを含むDNA断片とハイブリダイズ可能な核酸が基板上に配置されている。また、抗シトシン抗体と抗メチル化シトシン抗体とを組み合わせ使用した場合、あるいは、通常の条件下で抗体接触工程を実施した後、抗原抗体反応における1価結合を解離させ、且つ2価結合を維持することのできる条件下で溶出するDNA断片を同定した場合、両端のC含有突出末端の一方のみにシトシンを含むDNA断片とハイブリダイズ可能な核酸が基板上に配置されている。

【0079】

また、一本鎖化用核酸を用いてDNA断片混合物を調製するシトシン型製造方法により製造したDNAアレイでは、一本鎖化した領域にシトシンを含むDNA断片（すなわち、一本鎖化した領域の少なくとも1つのシトシンがメチル化されていないDNA断片）とハイブリダイズ可能な核酸が基板上に配置されている。特に、抗体接触工程におけるDNA断片混合物と抗シトシン抗体との接触を、抗原抗体反応における1価結合を解離させ、且つ2価結合を維持することのできる条件下で実施した場合には、一本鎖化した領域に2つ以上のシトシンを含むDNA断片とハイブリダイズ可能な核酸が基板上に配置されている。なお、一本鎖化用核酸を用いてDNA断片混合物を調製する場合には、両端に露出するメチル化シトシン又はシトシンの影響を受けないように、両端を平滑末端にする処理を実施することが好ましい。

【0080】

更に、本発明のシトシン型DNAアレイにおいては、先述のメチル化シトシン型DNAアレイで用いることのできる、特定領域にメチル化シトシンを含むDNA断片（すなわち、特定領域の少なくとも1つのシトシンがメチル化されているDNA断片）とハイブリダイズ可能な核酸を基板上に配置することができる。本発明のDNAアレイにおいて、特定領域にメチル化シトシンを含むDNA断片とハイブリダイズ可能な核酸と、特定領域にシトシンを含むDNA断片とハイブリダイズ可能な核酸とを、適宜分類して同時に基板上に配置すると、メチル化の程度が異なる複数のメチレーションサイトのメチル化について、一度に包括的に分析することができる。

【0081】

[2] 本発明のメチル化分析方法

本発明のメチル化分析方法は、調製工程、抗体接触工程、及び分析工程を含む。本発明のメチル化分析方法は、本発明のDNAアレイを用いることもできるし、それ以外のDNAアレイを用いることもできる。

本発明のメチル化分析方法は、抗体接触工程で用いる抗体の特異性の違いにより、少なくとも1つのメチル化シトシンが露出しているDNA断片を分析可能な方法（以下、メチル化シトシン型分析方法と称する）と、少なくとも1つのシトシンが露出しているDNA断片を分析可能な方法（以下、シトシン型分析方法と称する）とが含まれる。

【0082】

本発明のメチル化分析 방법에含まれるメチル化シトシン型分析方法では、抗体接触工程で用いる抗体として、少なくとも抗メチル化シトシン抗体、すなわち、メチル化シトシンと特異的に反応するが、シトシンとは特異的に反応しない抗体を使用し、好ましくは、分析工程で用いるDNAアレイとして、本発明のメチル化シトシン型DNAアレイを使用する。

【0083】

一方、本発明のメチル化分析 방법에含まれるシトシン型分析方法では、抗体接触工程で用いる抗体として、少なくとも抗シトシン抗体、すなわち、シトシンと特異的に反応するが、メチル化シトシンとは特異的に反応しない抗体を使用し、好ましくは、分析工程で用いるDNAアレイとして、本発明のシトシン型DNAアレイを使用する。

なお、前記メチル化シトシン型分析方法又はシトシン型分析方法において、抗メチル化シトシン抗体及び抗シトシン抗体を組み合わせ使用することもできる。

以下、メチル化シトシン型分析方法について説明し、続いて、シトシン型分析方法について説明する。

【0084】

(1) メチル化シトシン型分析方法

本発明のメチル化シトシン型分析方法における調製工程では、分析対象DNAから、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンが露出しているDNA断片混合物を調製する。

本発明のメチル化シトシン型分析方法において分析対象とすることのできるDNAは、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンを含む可能性のあるDNAである限り、特に限定されるものではなく、例えば、細胞（例えば、動物細胞又は植物細胞）のゲノムDNA、あるいは、生体試料又はそれに由来する試料（例えば、血液、血漿、血清、尿、リンパ液、髄液、唾液、腹水、羊水、粘液、乳汁、胆汁、胃液、又は透析実施後の人工透析液など）に存在する遊離DNA断片混合物を挙げることができる。

【0085】

前記DNA断片混合物を調製する手段としては、メチル化シトシン型製造方法における調製工程で先述したDNA断片混合物の調製手段を用いることができ、メチル化シトシン型製造方法の調製工程における前記調製手段に関する説明が、そのまま、メチル化シトシン型分析方法における調製工程にも当てはまる。

【0086】

本発明のメチル化シトシン型分析方法における抗体接触工程では、前記調製工程で得られたDNA断片混合物と、抗メチル化シトシン抗体とを接触させ、前記抗体と反応して免疫複合体を形成したDNA断片群（複合体形成DNA断片群）と、前記抗体と反応しなかったDNA断片群（未反応DNA断片群）とに分離する。

メチル化シトシン型分析方法における抗体接触工程は、メチル化シトシン型製造方法における抗体接触工程と同様にして実施することができる。すなわち、メチル化シトシン型製造方法における抗体接触工程に関する説明が、そのまま、メチル化シトシン型分析方法における抗体接触工程にも当てはまる。

【0087】

本発明のメチル化シトシン型分析方法における分析工程では、前記抗体接触工程で得られた複合体形成DNA断片群に含まれるDNA断片及び／又は未反応DNA断片群に含まれるDNA断片を、分析目的に応じて適宜選択可能なDNAアレイで分析する。

メチル化シトシン型製造方法又はシトシン型製造方法における抗体接触工程において先述したとおり、DNA断片群として、種々のDNA断片群、例えば、少なくとも一方の末端におけるメチレーションサイト（シトシン）がメチル化されている（すなわち、2つのC含有突出末端の少なくとも一方にメチル化シトシンが存在する）DNA断片群、

両端のメチレーションサイト（シトシン）が両方ともメチル化されている（すなわち、2つのC含有突出末端の両方にメチル化シトシンが存在する）DNA断片群、

一方の末端におけるメチレーションサイト（シトシン）のみがメチル化されている（すなわち、2つのC含有突出末端の一方のみにメチル化シトシンが存在する）DNA断片群、

少なくとも一方の末端におけるメチレーションサイト（シトシン）がメチル化されていない（すなわち、2つのC含有突出末端の少なくとも一方にシトシンが存在する）DNA断片群、

両端のメチレーションサイト（シトシン）が両方ともメチル化されていない（すなわち、2つのC含有突出末端の両方にシトシンが存在する）DNA断片群、又は

一方の末端におけるメチレーションサイト（シトシン）のみがメチル化されていない（すなわち、2つのC含有突出末端の一方のみにシトシンが存在する）DNA断片群

を取得することができる。本発明では、分析目的に応じて、これらのDNA断片群を適宜選択して使用することができる。

【0088】

また、本発明のメチル化シトシン型分析方法で用いることのできるDNAアレイとしては、例えば、本発明のメチル化シトシン型DNAアレイ若しくはシトシン型DNAアレイ、又は公知のDNAアレイを用いることができる。公知のDNAアレイとしては、例えば、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンを含む突出末端（例えば、CG含有突出末端）を生じさせるメチル化非感受性制限酵素（例えば、Xma I）でゲノムDNAを消化することにより得られるDNA断片とハイブリダイズ可能な核酸を基板上に配置したDNAアレイを挙げることができる。

【0089】

前記複合体形成DNA断片群に含まれるDNA断片は、DNAアレイによる分析に影響を与えない限り、免疫複合体を形成したままで、あるいは、抗メチル化シトシン抗体から分離した状態で、分析を実施することができる。一般的には、抗メチル化シトシン抗体は、適当な担体に担持させた状態で使用することが好ましい。

【0090】

DNAアレイによる分析は、常法に従って実施することができる。例えば、被検試料である前記DNA断片を、適当な標識物質（例えば、蛍光物質又は放射性物質）で予め標識した後、DNAアレイ上に配置した各核酸とハイブリダイズさせ、DNAアレイ上の各核酸と結合した標識化DNA断片に由来する各シグナルを分析（測定又は検出）することにより、各核酸とハイブリダイズ可能なDNA断片の存在の有無を網羅的に確認することができる。あるいは、複合体形成DNA断片群に含まれるDNA断片と、未反応DNA断片

群に含まれるDNA断片とを、それぞれ別々の標識物質で標識して、DNAアレイにかけることもできる。

【0091】

本発明のメチル化シトシン型分析方法において、本発明のメチル化シトシン型DNAアレイを用いる場合には、例えば、抗体接触工程においてDNA断片混合物を抗メチル化シトシン抗体と接触させることにより、メチル化シトシンが露出しているDNA断片（複合体形成DNA断片群）と、メチル化シトシンが露出していないDNA断片（未反応DNA断片群）とを分離した後、メチル化シトシンが露出しているDNA断片のみを用いてDNAアレイによる分析を行うことができる。この場合、分析対象細胞におけるゲノムDNAのメチル化率が高い場合には、メチル化シトシンが露出しているDNA断片の割合が高くなるため、DNAアレイ上のポジティブスポットの数が多くなる（すなわち、ネガティブスポットの数が少なくなる）。それに対して、メチル化率が低い場合には、メチル化シトシンが露出しているDNA断片の割合が低くなるため、ポジティブスポットの数が少なくなる（すなわち、ネガティブスポットの数が多くなる）。

このように、各分析対象細胞におけるポジティブスポット及び／又はネガティブスポットの傾向（すなわち、数の大小）から、前記細胞のゲノムDNAにおけるメチル化率を判定することができ、更には、ポジティブスポット及び／又はネガティブスポットのプロファイルから、その細胞の状態（例えば、癌細胞の悪性度、細胞の分化状態、疾病への罹患の有無）についても把握することができる。

【0092】

また、本発明のメチル化シトシン型分析方法において、DNAアレイとして、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンを含む突出末端（例えば、CG含有突出末端）を生じさせるメチル化非感受性制限酵素（例えば、XmaI）でゲノムDNAを消化することにより得られるDNA断片とハイブリダイズ可能な核酸を基板上に配置したDNAアレイを用いる場合には、例えば、抗体接触工程においてDNA断片混合物を抗メチル化シトシン抗体と接触させることにより、メチル化シトシンが露出しているDNA断片（複合体形成DNA断片群）と、メチル化シトシンが露出していないDNA断片（未反応DNA断片群）とを分離した後、いずれか一方を前記DNAアレイにかけることにより、あるいは、前記分離後、別々の標識物質で標識し、両方を前記DNAアレイにかけることにより、メチル化の状態を把握することができる。なお、DNAアレイにかけるDNA断片量が不十分である場合には、予めDNA増幅（例えば、PCR）を実施し、充分量のDNA断片量を確保してから、DNAアレイによる分析を実施することもできる。

なお、抗体接触工程を、通常の下で実施した後、抗原抗体反応における1価結合を解離させ、且つ2価結合を維持することのできる条件下で溶出させた場合、複合体形成DNA断片群には、両端のメチレーションサイトが両方ともメチル化されているDNA断片のみが含まれ、溶出された未反応DNA断片群には、片方のみがメチル化されているDNA断片のみが含まれる。これらのDNA断片群（いずれか一方又は両方）を前記DNAアレイにかけることによっても、メチル化の状態をより詳細に把握することができる。

【0093】

これらの分析方法を用いると、細胞ごとにメチル化の状態を調べることが可能であり、あるいは、細胞種をマッピングすることができる。

例えば、ゲノムDNAをXmaIで消化したDNA断片のうちの多くは、細胞種毎にメチル化が変動しないDNAであると考えられる。特に遺伝子領域でなく、パラサイト遺伝子などは、常に不活化されている必要があると考えられる。癌細胞ではカラムに捕獲されるが、正常細胞では捕獲されないDNA断片か、あるいは逆に、正常細胞では捕獲されるが、癌細胞では捕獲されなくなるようなDNA断片に注目することが好ましい。

【0094】

(2) シトシン型分析方法

本発明のシトシン型分析方法における調製工程では、分析対象DNAから、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンが露出しているDNA断片混合物を調製

する。

本発明のシトシン型分析方法において分析対象とすることのできるDNAは、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンを含む可能性のあるDNAである限り、特に限定されるものではなく、例えば、細胞（例えば、動物細胞又は植物細胞）のゲノムDNA、あるいは、生体試料又はそれに由来する試料（例えば、血液、血漿、血清、尿、リンパ液、髄液、唾液、腹水、羊水、粘液、乳汁、胆汁、胃液、又は透析実施後の人工透析液など）に存在する遊離DNA断片混合物を挙げることができる。

【0095】

前記DNA断片混合物を調製する手段としては、メチル化シトシン型製造方法における調製工程で先述したDNA断片混合物の調製手段を用いることができ、メチル化シトシン型製造方法の調製工程における前記調製手段に関する説明が、そのまま、シトシン型分析方法における調製工程にも当てはまる。

【0096】

本発明のシトシン型分析方法における抗体接触工程では、前記調製工程で得られたDNA断片混合物と、抗シトシン抗体とを接触させ、前記抗体と反応して免疫複合体を形成したDNA断片群（複合体形成DNA断片群）と、前記抗体と反応しなかったDNA断片群（未反応DNA断片群）とに分離する。

シトシン型分析方法における抗体接触工程は、シトシン型製造方法における抗体接触工程と同様にして実施することができる。すなわち、シトシン型製造方法における抗体接触工程に関する説明が、そのまま、シトシン型分析方法における抗体接触工程にも当てはまる。

【0097】

本発明のシトシン型分析方法における分析工程では、前記抗体接触工程で得られた複合体形成DNA断片群に含まれるDNA断片及び／又は未反応DNA断片群に含まれるDNA断片を、分析目的に応じて適宜選択可能なDNAアレイで分析する。

シトシン型分析方法における分析工程は、メチル化シトシン型分析方法における分析工程と同様にして実施することができる。すなわち、メチル化シトシン型分析方法における分析工程に関する説明が、そのまま、シトシン型分析方法における分析工程にも当てはまる。

【0098】

本発明のシトシン型分析方法において、本発明のシトシン型DNAアレイを用いる場合には、例えば、抗体接触工程においてDNA断片混合物を抗シトシン抗体と接触させることにより、シトシンが露出しているDNA断片（複合体形成DNA断片群）と、シトシンが露出していないDNA断片（未反応DNA断片群）とを分離した後、シトシンが露出しているDNA断片のみを用いてDNAアレイによる分析を行うことができる。この場合、分析対象細胞におけるゲノムDNAのメチル化率が高い場合には、シトシンが露出しているDNA断片の割合が低くなるため、DNAアレイ上のポジティブスポットの数が少なくなる（すなわち、ネガティブスポットの数が多くなる）。それに対して、メチル化率が低い場合には、シトシンが露出しているDNA断片の割合が高くなるため、ポジティブスポットの数が多くなる（すなわち、ネガティブスポットの数が少なくなる）。

このように、各分析対象細胞におけるポジティブスポット及び／又はネガティブスポットの傾向（すなわち、数の大小）から、前記細胞のゲノムDNAにおけるメチル化率を判定することができ、更には、ポジティブスポット及び／又はネガティブスポットのプロファイルから、その細胞の状態（例えば、癌細胞の悪性度、細胞の分化状態、疾病への罹患の有無）についても把握することができる。

【0099】

また、本発明のシトシン型分析方法において、DNAアレイとして、メチル化シトシン又はメチル化される可能性のあるシトシンを含む突出末端（例えば、CG含有突出末端）を生じさせるメチル化非感受性制限酵素（例えば、XmaI）でゲノムDNAを消化することにより得られるDNA断片とハイブリダイズ可能な核酸を基板上に配置したDNAアレイを用いる場合には、例えば、抗体接触工程においてDNA断片混合物を抗シトシン抗

体と接触させることにより、シトシンが露出しているDNA断片（複合体形成DNA断片群）と、シトシンが露出していないDNA断片（未反応DNA断片群）とを分離した後、いずれか一方を前記DNAアレイにかけることにより、あるいは、前記分離後、別々の標識物質で標識し、両方を前記DNAアレイにかけることにより、メチル化の状態を把握することができる。なお、DNAアレイにかけるDNA断片量が不充分である場合には、予めDNA増幅（例えば、PCR）を実施し、充分量のDNA断片量を確保してから、DNAアレイによる分析を実施することもできる。

なお、抗体接触工程を、通常の条件下で実施した後、抗原抗体反応における1価結合を解離させ、且つ2価結合を維持することのできる条件下で溶出させた場合、複合体形成DNA断片群には、両端のメチレーションサイトが両方ともメチル化されていないDNA断片のみが含まれ、溶出された未反応DNA断片群には、片方のみがメチル化されていないDNA断片のみが含まれる。これらのDNA断片群（いずれか一方又は両方）を前記DNAアレイにかけることによっても、メチル化の状態をより詳細に把握することができる。

【0100】

一例として、本発明のメチル化分析方法におけるメチル化シトシン型分析方法（メチル化シトシン型アレイを用いる態様）及びシトシン型分析方法（シトシン型アレイを用いる態様）の主な特徴を、表3に示す。

《表3》

		メチル化シトシン型分析方法	シトシン型分析方法
使用する抗体		抗メチル化シトシン抗体	抗シトシン抗体
使用するDNAアレイ		メチル化シトシン型アレイ	シトシン型アレイ
スポット の傾向	高メチル化	ポジティブスポットが多い	ネガティブスポットが多い
	低メチル化	ネガティブスポットが多い	ポジティブスポットが多い

【0101】

[3] 本発明のDNA精製方法

本発明のDNA精製方法では、突出末端を有する二本鎖DNA断片を、前記突出末端に含まれる塩基に対する抗体を用いて取得する。本発明のDNA精製方法は、例えば、本発明の製造方法又は本発明のメチル化分析方法における抗体接触工程に利用することができる。

【0102】

突出末端を有するDNA断片、例えば、制限酵素で消化して得られるDNA断片の公知の精製方法としては、例えば、ゲル電気泳動により分離した後、ゲルから溶出する方法が一般的である。しかしながら、この方法では、電気泳動を実施するため、必ずしも迅速にDNA断片を精製することはできなかった。

【0103】

一方、DNAを構成する各塩基に対する抗体は公知であるが、それを用いて一本鎖DNAを分離する方法は公知であるものの、前記抗体を用いて、制限酵素で消化して得られるDNA断片を分離する試みは全く行われていなかった。この理由は、本発明者が推測するに、二本鎖DNAでは各塩基が主鎖の内側に位置するため、抗塩基抗体が塩基に結合することが妨げられること、また、制限酵素により生じる突出末端の塩基長は、通常、2～4塩基であり、抗塩基抗体が突出末端の塩基に結合することは立体障害等から困難と考えられていたためと思われる。

【0104】

本発明者は、本発明の製造方法における抗体接触工程に関する各種態様を検討していく過程において、DNA断片の突出末端の塩基に注目し、それに対する抗体を用いることにより、前記DNA断片を分離することが可能であることを見出した。このような短い突出末端における塩基に対して、立体障害等の影響を受けずに、抗原抗体反応が可能であることは、予想外の結果であった。

【0105】

本発明のDNA精製方法を適用することのできる二本鎖DNA断片は、突出末端を有する限り、特に限定されるものではなく、例えば、突出末端を生じさせる制限酵素で消化して得られるDNA断片、エキソヌクレアーゼで消化して得られるDNA断片、二種類の一本鎖DNAをハイブリダイズして得られる二本鎖DNA断片などを挙げることができる。突出末端の塩基長は、特に限定されるものではないが、例えば、10塩基以下であり、好ましくは制限酵素の消化により生じる突出末端の塩基長（通常、5塩基以下、好ましくは4塩基以下、より好ましくは3塩基以下、更に好ましくは2塩基以下）である。

【0106】

突出末端に含まれる塩基としては、天然のDNAに含まれる通常の塩基、例えば、シトシン、メチル化シトシン、アデニン、グアニン、又はチミン以外にも、酸化による化学修飾若しくは化学変換された塩基（例えば、グアニンのプリン環の8位が酸化された8-オキソグアニン）、あるいは、紫外線により架橋された塩基（例えば、チミジンダイマー）などを挙げることができる。突出末端に含まれる塩基に対する抗体としては、例えば、抗シトシン抗体、抗メチル化シトシン抗体、抗アデニン抗体、抗グアニン抗体、抗チミン抗体、抗8-オキソグアニン抗体、又は抗チミジンダイマー抗体などを挙げることができ、精製対象であるDNA断片の突出末端の塩基配列に応じて適宜選択することができる。

前記抗体は、モノクローナル抗体又はポリクローナル抗体のいずれであることもでき、狭義の抗体（すなわち、免疫グロブリン分子それ自体）が含まれるだけでなく、抗体断片、例えば、Fab、Fab'、F(ab')₂、又はFvを用いることができる。

【0107】

精製対象であるDNA断片と抗塩基抗体との接触は、一般的な抗原抗体反応と同様に実施することができる。前記接触を、抗原抗体反応における1価結合を解離させ、且つ2価結合を維持することのできる条件下で実施すると、両端が同一の突出末端であるDNA断片を、それ以外のDNAと分離することができる。例えば、2種類以上の制限酵素を用いてDNA消化を行った場合、制限酵素の種類に応じた種々の突出末端を有するDNA断片混合物が得られるが、前記条件下で抗原抗体反応を実施すると、両端が同一の突出末端であるDNA断片を、それ以外のDNA断片（例えば、両端が異なる突出末端であるDNA断片）と分離することができる。

【0108】

本発明のDNA精製方法によれば、例えば、ゲル電気泳動を実施することなく、突出末端に存在する特定塩基の有無を利用して、突出末端に前記塩基を含むDNA断片のみを精製することができる。

例えば、或るDNA断片をクローニングしたプラスミドから、2種類の制限酵素A及びBで前記DNA断片を切り出し、精製した後、更に、前記DNA断片（一端が制限酵素Aによる突出末端であり、他端が制限酵素Bによる突出末端を有する）を第3の制限酵素Cで2つの小断片に切断した場合、制限酵素A又はBにより生じる塩基配列中の特定塩基の有無に基づいて、ゲル電気泳動を実施することなく、前記小断片の一方のみを取得することができる。

また、本発明のDNA精製方法を利用すると、突出末端に特定塩基を含むDNA断片（1種類のDNA断片である場合と、複数種類のDNA断片の混合物である場合とを含む）のみを増幅することもできる。以下、本発明のDNA精製方法を利用した本発明のDNA増幅方法について説明する。

【0109】

本発明のDNA増幅方法では、例えば、DNA試料を突出末端を生じる制限酵素で消化した後、抗体を用いて目的のDNAのみを精製する。精製されたDNAは突出末端を有しているため、DNAリガーゼにより、前記DNAを再結合し、高分子量のDNAにすることができる。この場合、精製されたDNAが1種類のDNA断片であっても、あるいは、複数種類のDNA断片の混合物であっても構わない。得られた高分子量DNAを適当なDNA増幅系により増幅した後、最初に使用した制限酵素で再び断片化することにより、先

に抗体で精製したDNAのみを選択的に増幅することができる。

【0110】

前記DNA増幅系としては、例えば、GenomiPhiを用いた増幅系（例えば、GenomiPhi DNA Amplification Kit, Cat. #25-6600-01; Amersham社）を挙げることができる。この増幅系は、50 kbp以上で効率よくDNAを増幅することができ、例えば、数ナノグラムのDNAを数マイクログラムまで増幅することができる。また、ランダムプライマーを使用しているので、前記の抗体による精製で得られたDNAの全てを一様に増幅することが可能である。このように、前記DNA増幅系は、得られたDNAを一度に全て増幅可能な方法であればいずれの方法でも良く、特にこの方法に限定されることはない。例えば、抗体で精製したDNAにリンカーアダプターを接合（Ligate）し、前記リンカーアダプターに特異的に結合するオリゴDNAプライマーを用いてPCR法で増幅しても、同様な結果を得ることができる。

【0111】

本発明のDNA増幅方法を用いると、ゲノムDNAなどの、種々の遺伝子が含まれるDNAをそのまま鋳型にしてDNA増幅を行うよりも、目的のDNAを濃縮して増幅する方が高いS/N比を得ることができる。すなわち、これは、増幅したDNA中に目的のDNAがどの位含まれているかの判定が容易であることを意味する。

現在のところ、鋳型DNAのシトシンのメチル化をそのまま反映したDNA増幅産物を得ることは実現されていない。しかし、本発明によれば、制限酵素消化で作出されたDNA両端の突出部分、すなわち、突出した1本鎖DNA中のシトシンのメチル化を指標に前記抗体を用いて濃縮精製し、DNA増幅を行うことができるので、結果的には前記メチル化DNAのみをDNA増幅することができる。

このように、検査対象とするDNA試料中に、突出した1本鎖DNA中のシトシンがメチル化されていないDNA断片が多量に存在する場合であっても、突出した1本鎖DNA中のシトシンがメチル化されているDNA断片を効率よくDNA増幅することが可能となる。

【0112】

例えば、癌に罹患している患者では、癌組織から、癌特異的にメチル化されたDNA断片が血液中に微量流出している。しかし、癌に罹患していない正常人であっても、血清中には数ナノグラム/mLの正常細胞由来のDNA断片が流れている。従って、被験者が癌に罹患しているか否かを分析するためには、前記の正常細胞由来のDNA断片に埋没した癌由来の異常なメチル化DNA断片を検出しなくてはならない。

本発明によれば、癌特異的にメチル化されたDNA断片を、先ず、抗体を用いて濃縮することができる。この濃縮精製されたDNA画分には、癌化によって異常なメチル化を受けたDNA断片が濃縮して存在することとなる。

【実施例】

【0113】

以下、実施例によって本発明を具体的に説明するが、これらは本発明の範囲を限定するものではない。

《実施例1：メチル化シトシン型DNAアレイの製造》

(1) Xma I消化DNA画分の分離

ヒト正常繊維芽細胞であるTIG-1細胞〔細胞集団倍化数(PDL) 29~30〕から、常法に従ってゲノムDNAを抽出し、その0.5 μ gを制限酵素Xma I (10 U)で2時間消化した。得られたDNA消化断片を10 mmol/Lリン酸バッファー(PB) / 50 mmol/L-NaCl / 0.05%ツイーン(Tween) 20 (pH 7.15) 1 mLで希釈し、制限酵素用緩衝液に含まれる還元剤を希釈した。これに抗5-メチルシトシン・モノクローナル抗体10 μ gを添加し、室温で5分間放置した。反応後、前記反応液をプロテインAカラム[CIM monolithic column Protein A HLD; BIA Separations d.o.o. (Slovenia) ; <http://www.monoliths.com/>]に通し、10 mmol/L-PB / 0.15 mol/L-NaCl / 0.05%ツイーン20 (2.5 mL)でカラムを2

回洗浄し、非吸着DNAをカラムから洗浄除去した。次に、前記カラムに10 mmol/L-PB/0.4 mmol/L-NaCl/0.05%ツイーン20 (4 mL)を通し、1価結合で結合しているDNA断片をカラムから溶出させ、その画分を保存した(1価結合DNA画分)。更に、同緩衝液(5 mL)でカラムを洗浄した後、0.3 mol/L酢酸ナトリウム(pH 4.5) 2 mLでカラムに吸着しているDNAをすべて溶出した(2価結合DNA画分)。

【0114】

得られた各DNA画分を定量したところ、1価結合DNA画分は総量16.7 ngであり、2価結合DNA画分は総量7.2 ngであった。なお、前記実施例では10 µgの抗体を使用した。この抗体添加量を増やすことにより、DNAのカラムへの結合量を増加させ、DNAの回収率を改善することができる。また、カラム長を長くすることによっても回収率を高めることができる。

【0115】

(2) DNA断片の増幅及びクローニング並びにDNAアレイの製造

前記実施例1(1)で得られた各画分に、3 mol/L酢酸ナトリウムを10分の1容量加え、2.5倍量のエタノールを加え、-20℃で1時間放置し、遠心分離によりDNAを回収する。沈殿したDNAを常法により連結(ligate)して高分子量DNAとし、市販の増幅系(GenomiPhi DNA Amplification Kit, Cat. #25-6600-01; Amersham社)を用いてDNA増幅を行う。増幅されたDNAを再びXma Iで切断し、これに含まれるDNA断片をそれぞれクローニングした後、各DNA断片の塩基配列を決定する。決定した塩基配列に基づいて、Tmを考慮しながら、DNAアレイに配置するオリゴヌクレオチドを設計し、化学合成する。合成したオリゴヌクレオチドを常法に基づいて基板上に配置することにより、本発明のDNAアレイを製造することができる。

【産業上の利用可能性】

【0116】

本発明のDNAアレイ及びメチル化分析方法は、DNAメチル化分析の用途に適用することができる。

【図面の簡単な説明】

【0117】

【図1】一分子の抗体が一方の抗原結合部位で二本鎖DNAと結合する1価結合の状態を示す模式図である。

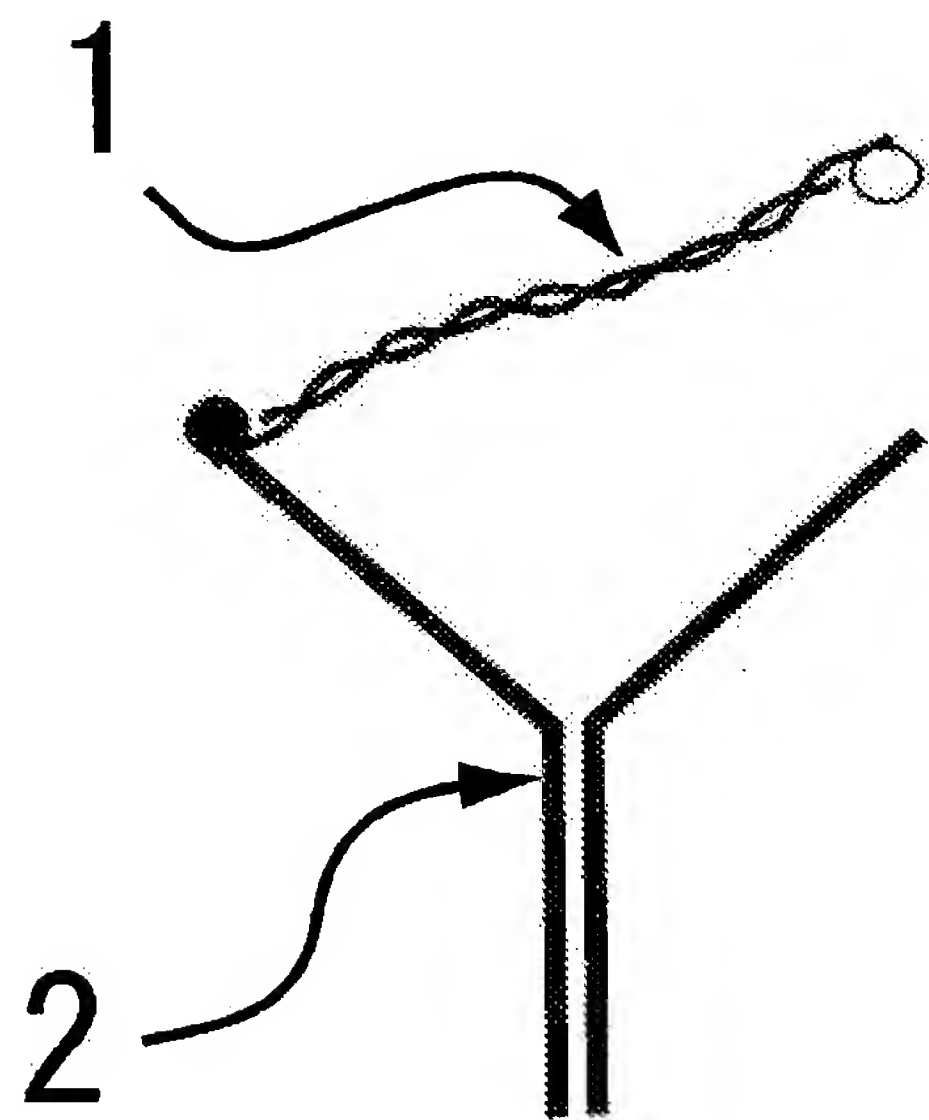
【図2】一分子の抗体が2箇所の抗原結合部位で二本鎖DNAと結合する2価結合の状態を示す模式図である。

【図3】担体に固定された二分子の抗体がそれぞれ1箇所の抗原結合部位で二本鎖DNAと結合する2価結合の状態を示す模式図である。

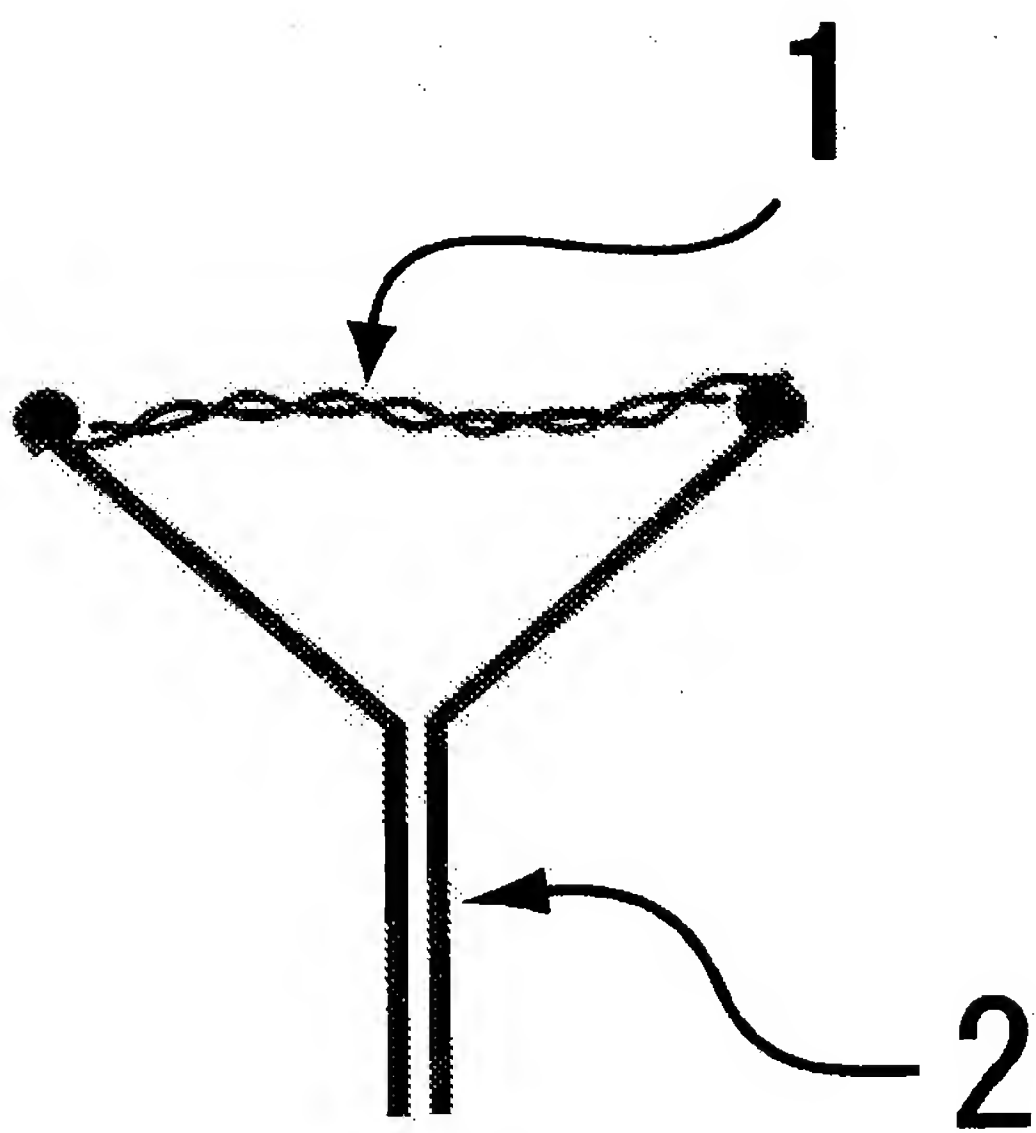
【図4】二分子の抗体がそれぞれ1箇所の抗原結合部位で二本鎖DNAと結合している状態を示す模式図である。

【書類名】 図面

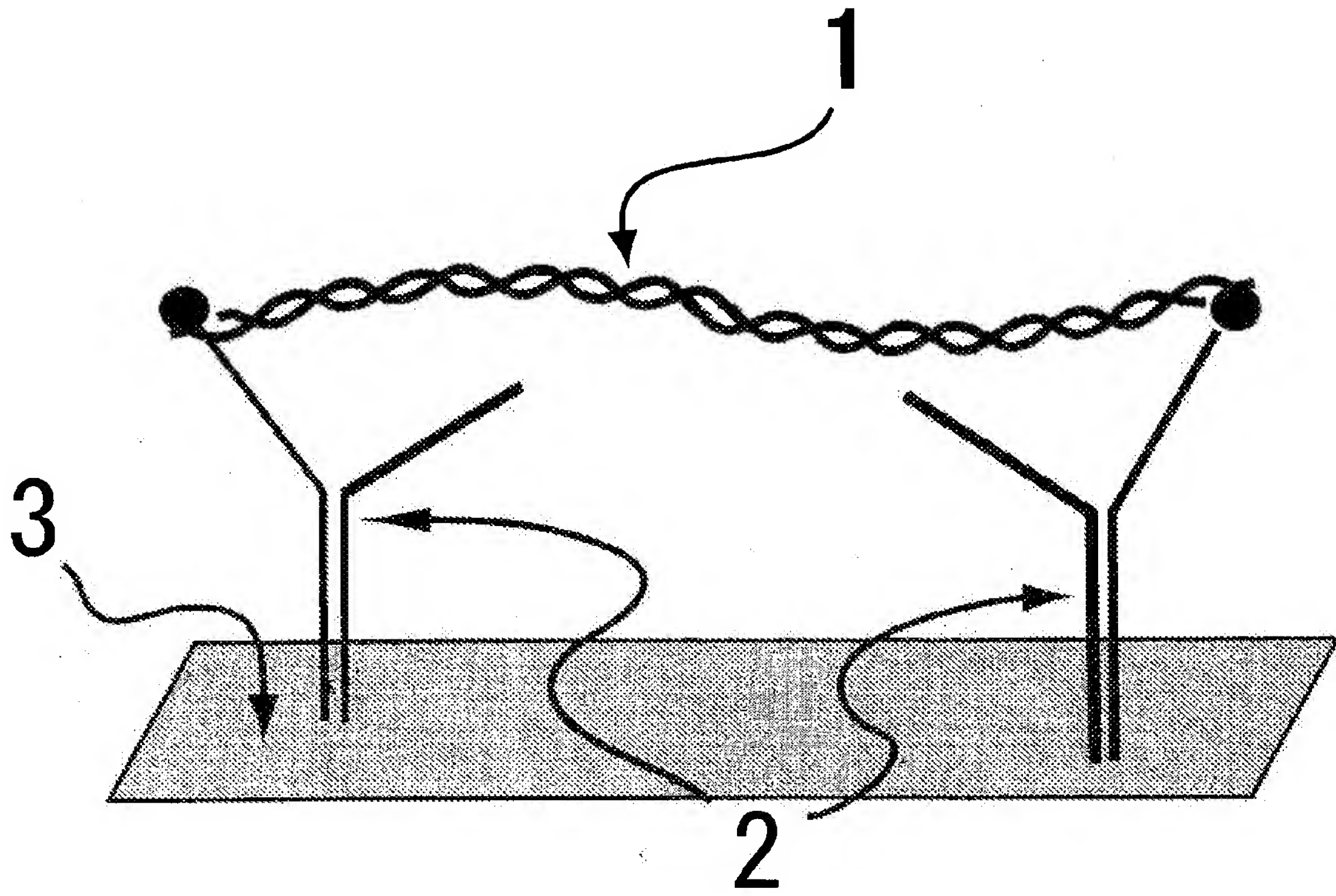
【図 1】



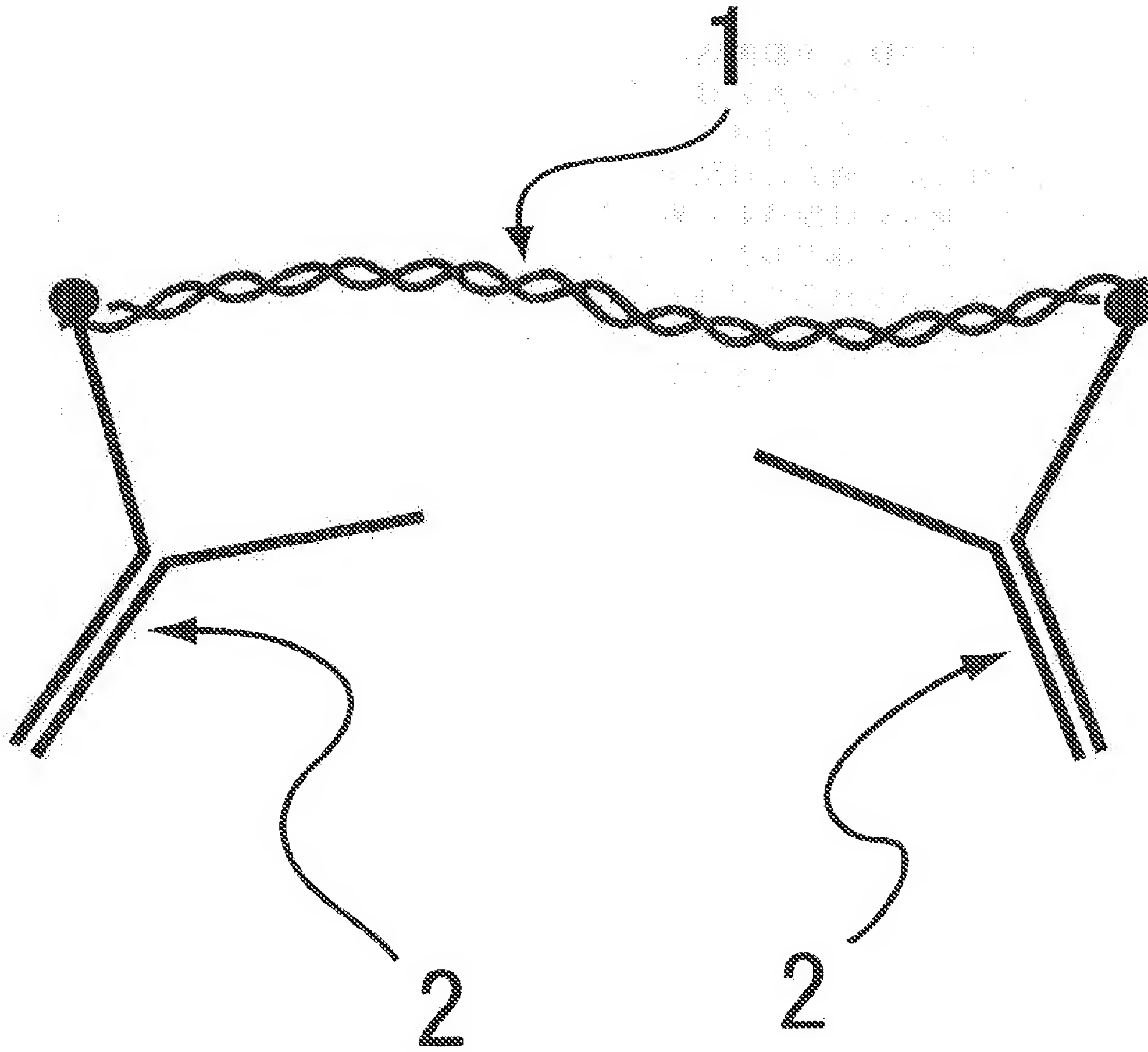
【図 2】



【図 3】



【図 4】



【書類名】 要約書

【要約】

【課題】 DNAのメチレーションサイトの網羅的な解析を可能とするDNAメチル化分析用DNAアレイ及びその製造方法並びにDNAメチル化分析方法を提供する。

【解決手段】 前記製造方法は、（１）メチル化シトシン又はシトシンが露出しているDNA断片混合物を調製する工程、（２）前記DNA断片混合物を、抗メチル化シトシン抗体又は抗シトシン抗体と接触させ、免疫複合体形成DNA断片群と未反応DNA断片群とに分離する工程、（３）免疫複合体形成DNA断片群に含まれるDNA断片の全部又は一部を同定する工程、及び（４）同定DNA断片とそれぞれハイブリダイズ可能な核酸を基板上に配置する工程を含む。前記DNAアレイは、前記製造方法により得られる。前記分析方法は、例えば、前記DNAアレイを使用する。

【選択図】 なし

認定・付加情報

特許出願の番号	特願 2 0 0 4 - 0 4 4 7 5 9
受付番号	5 0 4 0 0 2 7 8 0 5 2
書類名	特許願
担当官	第五担当上席 0 0 9 4
作成日	平成 1 6 年 2 月 2 3 日

< 認定情報・付加情報 >

【提出日】 平成 1 6 年 2 月 2 0 日

特願 2 0 0 4 - 0 4 4 7 5 9

出 願 人 履 歴 情 報

識別番号

[5 0 3 3 6 0 1 1 5]

- | | |
|----------|-----------------------|
| 1. 変更年月日 | 2 0 0 3 年 1 0 月 1 日 |
| [変更理由] | 新規登録 |
| 住 所 | 埼玉県川口市本町 4 丁目 1 番 8 号 |
| 氏 名 | 独立行政法人 科学技術振興機構 |
| | |
| 2. 変更年月日 | 2 0 0 4 年 4 月 1 日 |
| [変更理由] | 名称変更 |
| 住 所 | 埼玉県川口市本町 4 丁目 1 番 8 号 |
| 氏 名 | 独立行政法人科学技術振興機構 |

特願 2004-044759

出願人履歴情報

識別番号 [594053121]

1. 変更年月日 2003年 1月16日
 [変更理由] 名称変更
 住 所 東京都板橋区栄町35番2号
 氏 名 財団法人 東京都高齢者研究・福祉振興財団

2. 変更年月日 2009年 4月 7日
 [変更理由] 名称変更
 住所変更
 住 所 東京都新宿区神楽河岸1番1号
 氏 名 財団法人 東京都福祉保健財団